

# Union-FindからのNewman-Ziff

Newman, Mark EJ, and Robert M. Ziff. "Fast Monte Carlo algorithm for site or bond percolation." *Physical Review E* 64.1 (2001): 016706.

(実装例)

[https://colab.research.google.com/drive/157gvVrEHktmlsFs-8ZMqpRt\\_2FKgscUT?usp=sharing](https://colab.research.google.com/drive/157gvVrEHktmlsFs-8ZMqpRt_2FKgscUT?usp=sharing)

**Masaki Chujyo**

2023/2/24@zemi



# Newman-Ziff algorithmの実装を目指して

パーコレーションは、各リンク (bond) or ノード (site) が確率  $1-p$  で除去される過程。

リンクとノードの二種類を考えられるが、本発表では簡単のためリンク (bond) を扱う。

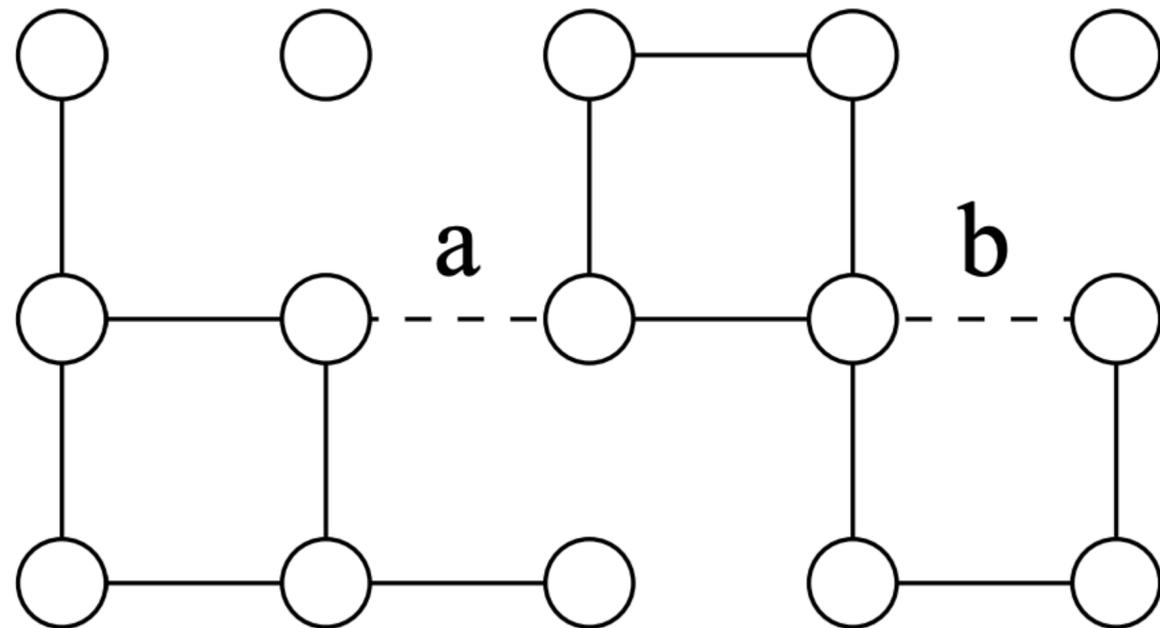
Newman-Ziffアルゴリズムはパーコレーションを数値シミュレーションする方法。

素集合データを扱うデータ構造の Union-Find Tree を使用することで高速に計算可能。

リンク除去の逆過程を考えることで、つなぐ (Union) 操作を行っていく。

リンクを1本だけ繋いだ時の連結成分サイズは「増える」か「変化しない」のが肝。

👉 This is the idea at the heart of our algorithm.



algorithm	time in seconds
depth-first search	4 500 000
unweighted relabeling	16 000
weighted relabeling	4.2
tree-based algorithm	2.9

# Union-Find Tree

**Union-Find Tree**は、素な集合を高速に扱うためのデータ構造。

2集合の統合(Union)と要素が含まれる集合の発見(Find)の2つの操作からなる。

競技プログラミングなどでは典型的な手法となっている。

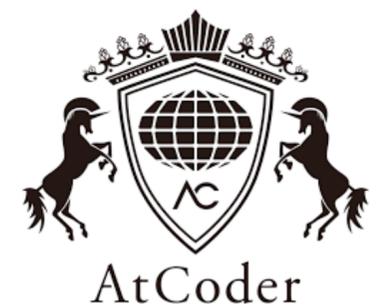
そのため資料も例題もネットや書籍などにめっちゃある。

<https://www.slideshare.net/chokudai/union-find-49066733>

<https://algo-method.com/descriptions/132>

[https://atcoder.jp/contests/atc001/tasks/unionfind\\_a](https://atcoder.jp/contests/atc001/tasks/unionfind_a)

<https://qiita.com/ofutonton/items/c17dfd33fc542c222396>



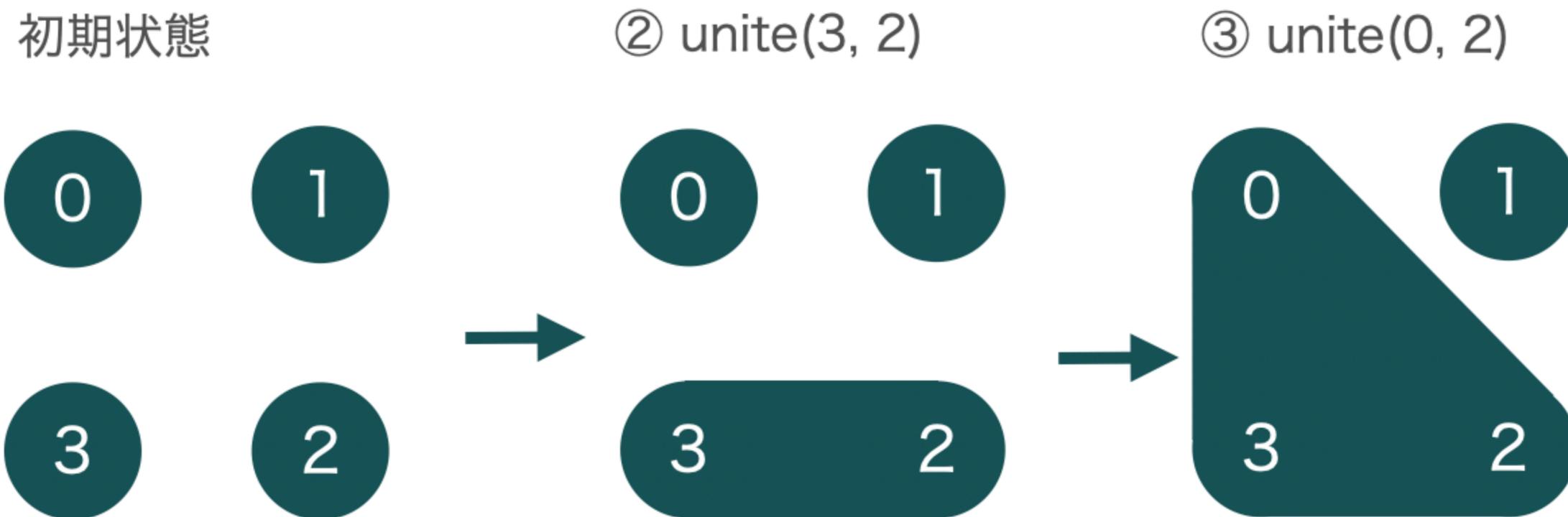
アルゴ式 <sup>Beta</sup>

# アルゴ式によるUnion-Find Tree解説

したいこと：素な集合を統合する(Union)と自身が含まれる集合の発見(Find)

**Find**は二つの要素が同じ集合に含まれているかの判定とも言える。

“集合からある要素を取り出す操作”は考えない。



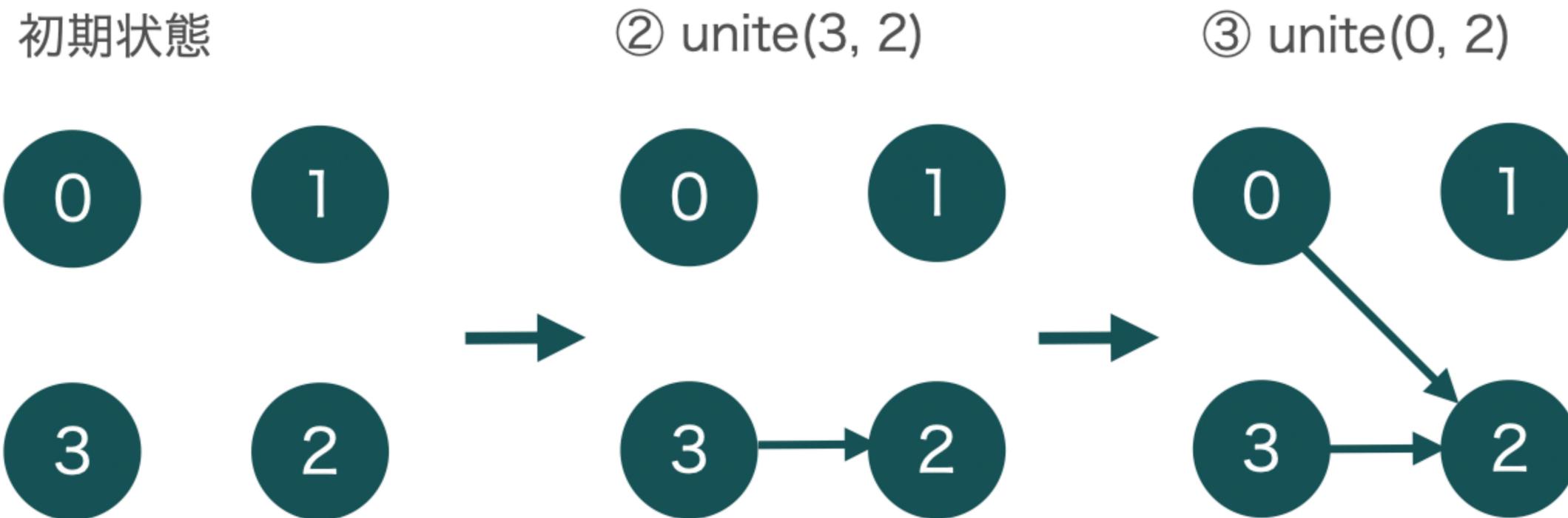
# アルゴ式によるUnion-Find Tree解説

各集合を有向リンクによる根つき有向木 (森)で表現する。

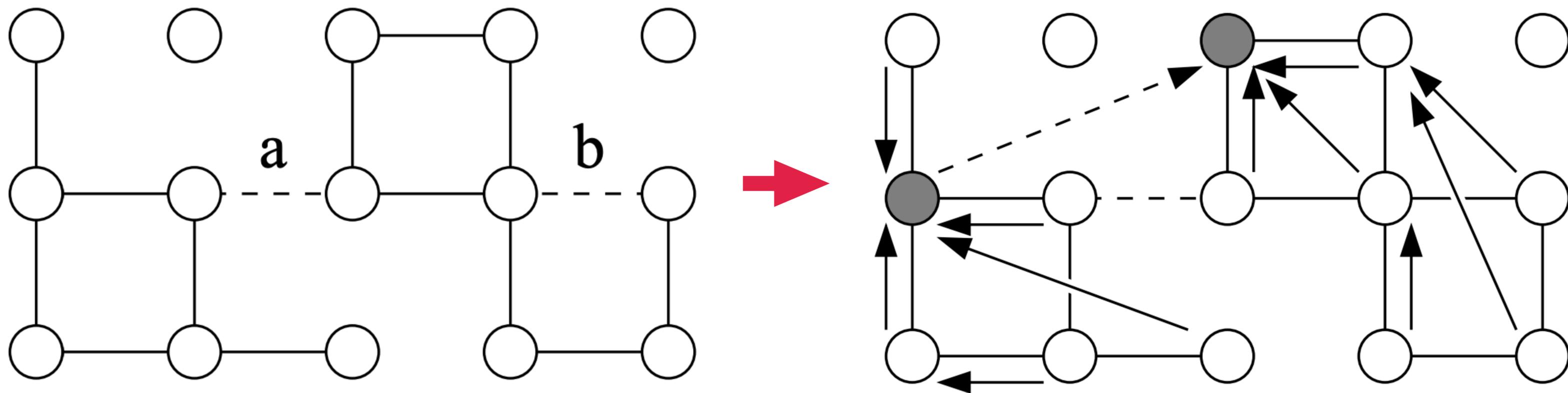
あるノードから出ている有向辺→先のノードを親ノードと呼ぶ。

要素が含まれる集合を発見する(**Find**): 有向辺を辿って到達する最終点(根ノード)を代表とする。

素な集合を統合する(**Union**): 根ノードの片方からもう一方へ有向辺を作る。



# ネットワークでのUnion-Find Treeの例



# ここまでのPython実装

各ノードに親ノードを設定して

根つき有向グラフを作る。

あとはさっきの説明をそのまま実装。

```
class SimpleUnionFind():
    def __init__(self, n):
        # n ノード
        self.n = n
        # 親ノードのリスト, -1は自身が根ノードであることを示す.
        self.parents = [-1] * n

    def find(self, x):
        # 根である場合は、そのidを返す
        if self.parents[x] < 0:
            return x
        # 再帰で親ノードを遡って根ノードを返す.
        else:
            return self.find(self.parents[x])

    def union(self, x, y):
        # それぞれの集合の根ノードを探す
        root_x = self.find(x)
        root_y = self.find(y)
        # 同じ集合なら何もしない
        if root_x == root_y:
            return
        # 異なる集合なら、片方の根ノードの親をもう一方の根ノードにする.
        else:
            self.parents[root_y] = root_x
```

# Union-Find Treeをもっと効率的に

Union-Find Treeをそのまま作成すると、高さの長い木が生成されてしまうことがある。

そこで計算が簡単な木にするテクニックが二つある。

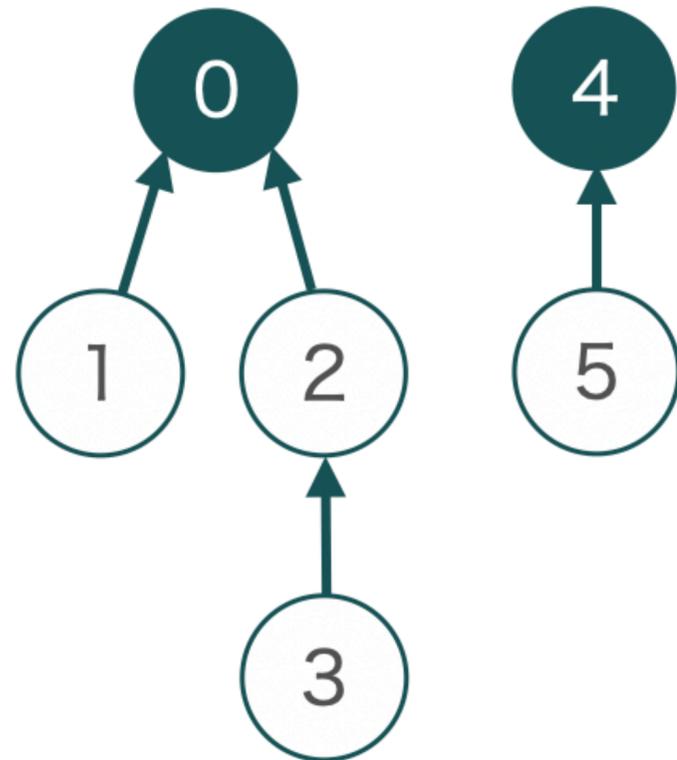


深さが N-1 になってしまう。

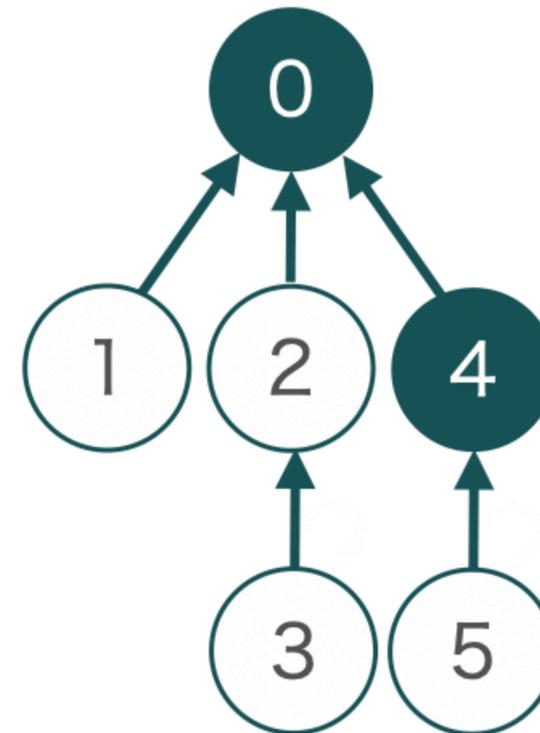
## 1. Union by size

低い木につなぐ

① 初期状態



② unite(2, 5)

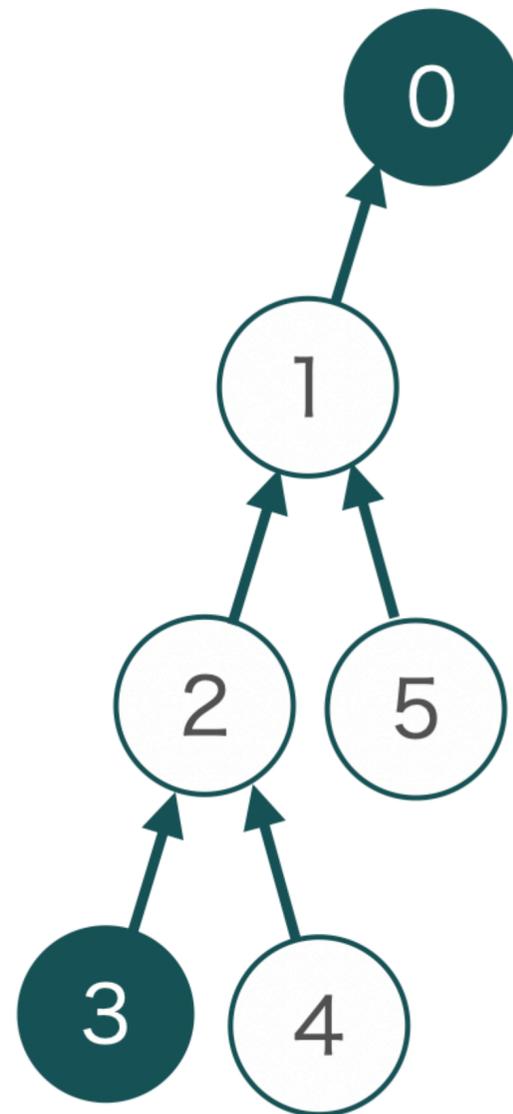


高さが低い方の根付き木の根(要素 4)を併合する。

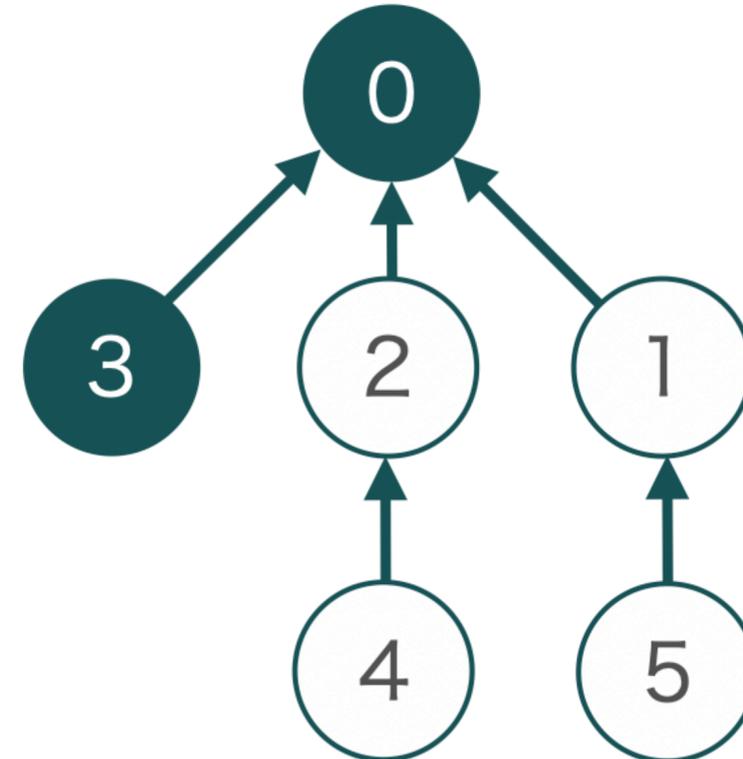
# Union-Find Treeをもっと効率的に

2. 経路圧縮: Findする時に根ノードにそのまま繋げる。

① 初期状態



② 要素 3 に対する経路圧縮



根から要素 3 までの間にある  
全ての要素(1, 2, 3) を根につなぐ。

# ここまでのPython実装

さっきのコードをちょっとだけ変える。

先ほど根かどうかを判定していた負の値を  
集合のサイズとしている。

つまり、これが連結成分サイズとなる。

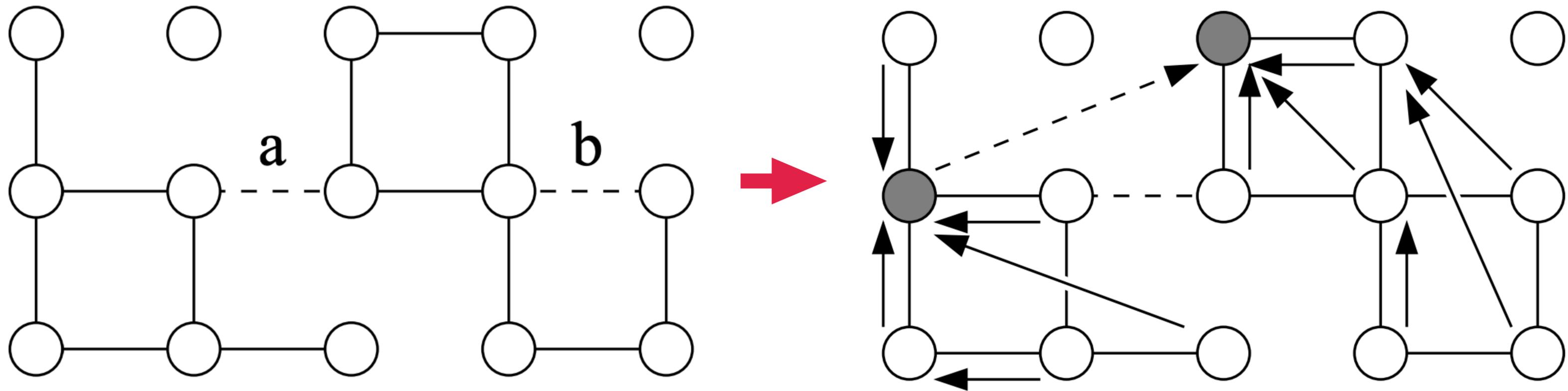
```
class UnionFind():
    def __init__(self, n):
        self.n = n
        # ここで負の値は、その根ノードが含まれる集合のサイズとする。
        self.parents = [-1] * n

    def find(self, x):
        if self.parents[x] < 0:
            return x
        else:
            # 経路圧縮の処理
            # 再帰で見つかった根ノードを親ノードに設定する
            self.parents[x] = self.find(self.parents[x])
            return self.parents[x]

    def union(self, x, y):
        x = self.find(x)
        y = self.find(y)
        if x == y:
            return
        # Union by sizeの処理
        # 距離が短い方を根にしてつなぐ
        if self.parents[x] > self.parents[y]:
            x, y = y, x
        self.parents[x] += self.parents[y]
        self.parents[y] = x
```

# Newman-Ziff algorithmでしたいこと

1本のリンクが追加された時の連結成分の変化をUnion-Find Treeで表現する。



# Newman-Ziff algorithm その1

Bond Percolationとして、リンクを一本ずつランダムに除去することを考える。

これを何回か繰り返し行う。そこで次のようにリンクの除去順リストを作成する。

## 除去リンクの順序リストの作成:

1. リンクのidを並べたリストを作る
2. リストの先頭リンク*i*=1を選択
3. ランダムにリンク*j*(>*i*)を選択
4. リンク*i*とリンク*j*を入れ替える
5. *i*+=1
6. 2-5をくり返す

```
def make_remove_list(M):
    remove_list=[e for e in range(M)]
    for i in range(M-1):
        rand_id=np.random.choice([k for k in range(i+1, M)])
        if(rand_id==i):
            pass
        else:
            remove_list[i], remove_list[rand_id]=remove_list[rand_id], remove_list[i]

    # 一応Permutationで減っていないかをチェック.
    if(len(list(set(remove_list))) != len(remove_list)):
        print("permutation Error.", set(remove_list)^set([e for e in range(M)]))

    return remove_list
```

# Newman-Ziff algorithm その2

除去順リストの後ろから、逆にリンクを追加し、unionしていただく。

## NZ alg.

1. 初期ノードは全てが自分自身が根の孤立ノードとする. 各サイズは1 ( $\text{parents}[i]=-1$ ).
2. 除去リストの後ろから一本追加する.
3. 追加されて繋がったノードが互いに含まれている根ノードをfindする.
4. 同じ集合に含まれている時は何もしない.
5. 異なる集合に含まれている時はunionする.
6. 最大連結成分サイズや平均連結成分サイズなどを計算する.
7. 2-6を繰り返し行う.

# Newman-Ziff algorithm 実装

最大連結成分(最大の集合)を得るための関数を追加.

全ての根ノードを得る関数rootsと

その中から最大を得る関数GCsizeを追加.

```
# 根ノードを出力
def roots(self):
    return [i for i,x in enumerate(self.parents) if x<0 ]

# 最大連結成分サイズを得る関数
def GCsize(self):
    roots=self.roots()
    return max([-self.parents[x] for x in roots])
```

```
class NZ_UnionFind():
    def __init__(self, n):
        self.n = n
        # ここで負の値は、その根ノードが含まれる集合のサイズとする.
        self.parents = [-1] * n

    def find(self, x):
        if self.parents[x] < 0:
            return x
        else:
            # 経路圧縮の処理
            # 再帰で見つかった根ノードを親ノードに設定する
            self.parents[x] = self.find(self.parents[x])
            return self.parents[x]

    def union(self, x, y):
        x = self.find(x)
        y = self.find(y)
        if x == y:
            return
        # Union by sizeの処理
        # 距離が短い方を根にしてつなぐ
        if self.parents[x] > self.parents[y]:
            x, y = y, x
        self.parents[x] += self.parents[y]
        self.parents[y] = x

# 根ノードを出力
def roots(self):
    return [i for i,x in enumerate(self.parents) if x<0 ]

# 最大連結成分サイズを得る関数
def GCsize(self):
    roots=self.roots()
    return max([-self.parents[x] for x in roots])
```

# Newman-Ziff algorithm 実装

メイン部分

論文をそのまま実装してるだけ

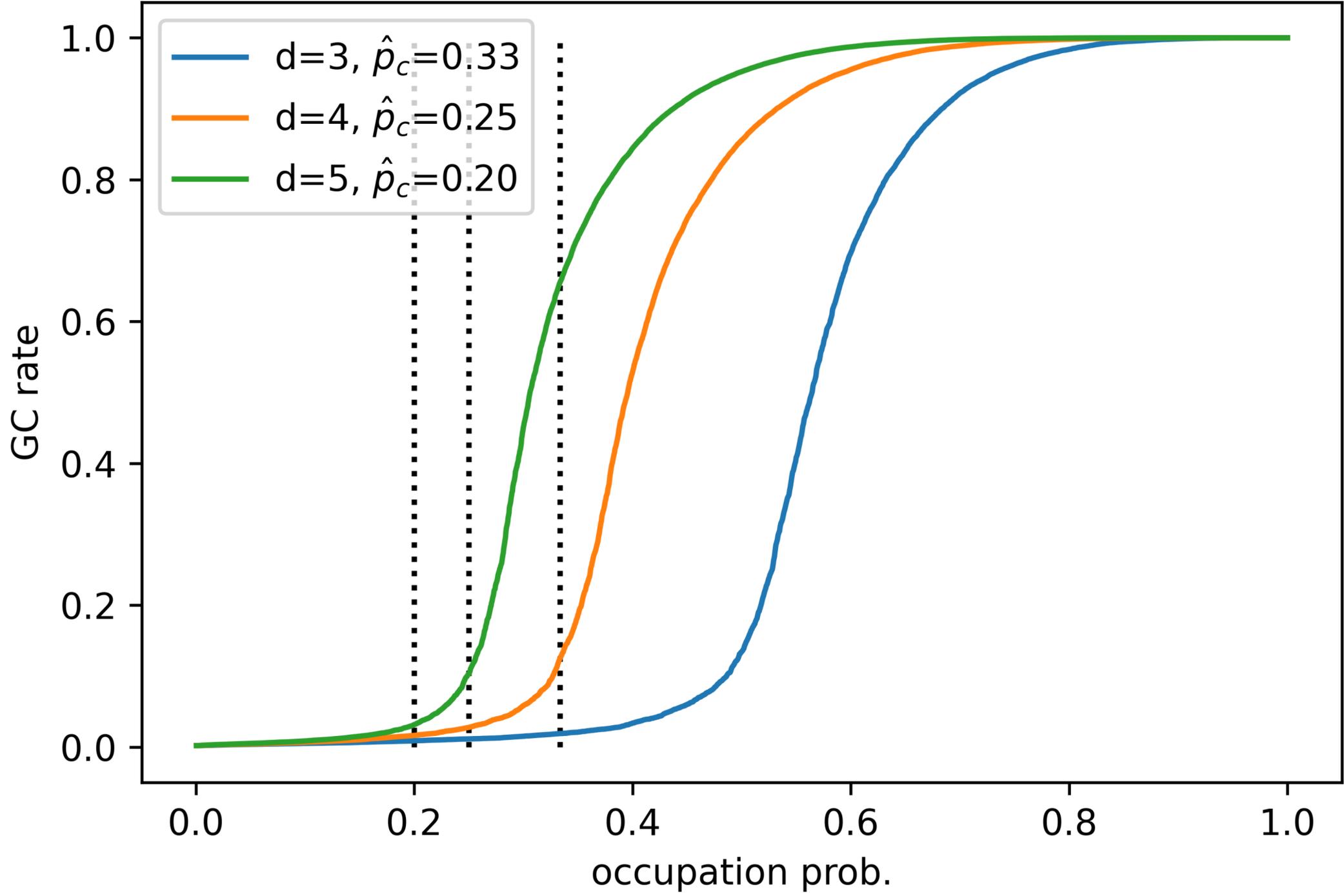
```
def NewmanZiffAlg(G_origin):
    # 固定値
    N=G_origin.number_of_nodes()
    M=G_origin.number_of_edges()
    Edges=[[e0,e1] for e0,e1 in G_origin.edges()]
    # 結果保存用
    sn=[0]*M
    # 適当に100平均
    averaging=100

    for loops in range(averaging):
        # 除去順リスト作成
        remove_list=make_remove_list(M)
        # UnionFind tree 作成
        uf=NZ_UnionFind(N)
        # 除去リストの逆順にする
        for n_removed_link, remove_link_id in enumerate(reversed(remove_list)):
            # unionで繋げる
            uf.union(Edges[remove_link_id][0], Edges[remove_link_id][1])
            # 最大連結成分を得る
            GCsize=uf.GCsize()/float(averaging)
            sn[n_removed_link]+=GCsize

    return sn
```

# Newman-Ziff algorithmのデモ

Random regular graphs(N=1000, 100平均)での結果,  $\hat{p}_c$ は隣接行列の固有値による推定値



# Newman-Ziff algorithmのデモ

Barabasi-Albert Model(N=1000, 100平均)での結果,  $\hat{p}_c$ は隣接行列の固有値による推定値

